## استمارة مستخلصات رسائل واطاريح الماجستير و الدكتوراه في جامعة البصرة

اسم الطالب: غصون فاضل راضي اسم المشرف: د. يحيى عبدالرضا عباس الشهادة: دكتوراه

الكلية: العلوم القسم: علوم الحياة التخصص: تصنيف بكتريا عنوان الرسالة او الاطروحة:

## التصنيف المظهري والجيني لـ Enterobacter Spp. المعزولة من مصادر مختلفة من مستشفيات البصرة

## ملخص الرسالة او الاطروحة:

تم جمع ٢٧٦ عينه من مستشفيات مختلفة في محافظة البصرة تضمنت عينات سريرية (ادرار، دم، خروج، مسحات من الانف، مسحات من الحنجرة،مسحات من الانن)، عينات من بيئة المستشفى (الأسره،المنظدات،والأرضية) وعينات من حليب الاطفال. اخضعت جميع العزلات للفحص الذرعي،المجهري، الكيموحيوي. شخصت ١٧٠ عزلة للجنس Enterobacter spp. بواسطة الاختبارات الكيموحيوية التقليدية.

تم استخدام Enterobacter spp. ( 67 عزلة ١٥٣ عديث شخصت ١٥٣ عزلة ٤٠٤. التشخيص التأكيدي للعزلات البكترية ،حيث شخصت ١٥٣ عزلة ٤٠٤. Vitek2compact system عزلات ٤٠٤. اعزلة ٤٠٤. احتيرت قدرة ٤٠٤. اختبرت قدرة ٤٠٤. اختبرت المضادات الحيوية حيث على مقاومة المضادات الحيوية حيث الفهرت النتانج بأن المضاد الحيوي الاكثر مقاوم من قبل العزلات كان Ceftazidime بنسبة ١٠٠ %. اجري التصنيف العدي ل ١٥٣ سلالة من Vitek2 compact system بأن المضاد الحيوي الاكثر مقاوم من قبل العزلات كان Enterobacter المشخصة بواسطة الصفات التقليدية ومتعت ١٠٤ عزلة من عزلة من العدول ١٥٣ المشخصة بواسطة الصفات التقليدية والموقع ١٥٠٠ زوج التشخيص الجيني بواسطة تقنية SrDNA ١٦ بواسطة الموالة الموال

College: College of Science Name of student: Ghosoon Fadhel Radhi

Dep.: Biology Name of Supervision: Prof.Dr.Yahya A. Abbas

Specialization: Bacterial taxonomy Certificate: Doctorate (PhD)

**Title of Thesis:** 

Phenotypic and Genotypic Classification of Enterobacter Spp.Isolated from Different Sources

of Basrah Hospitals

## **Abstract of Thesis:**

A total of 676 samples were collected from various hospitals in Basrah province included clinical specimens(urine ,blood ,stool,nasal swabs ,throat swabs ,ear swabs), hospitals environment swabs(beds,tables,ground) and milk powder of children. All isolates were subjected to the cultural, microscopical ,biochemical examination. 170 isolates were identified by traditional biochemical tests as Enterobacter spp.

Vitek 2 compact system used for confirmatory identification of bacterial isolates .A total of 153 bacterial isolates were diagnosed as Enterobacter (67 isolates E. aerogenes,65 isolates E. cloacae complex,11 isolates E. cloacae subsp cloacae ,4 isolates E. cloacae subsp dissolvens ,4 isolates E. sakazakii,1 isolate E. hormaechei and 1 isolate E. asburiae. Enterobacter spp. were screened for their antibiotic resistance,the results showed that the most resistant antibiotic was ceftazidime with percentage (100%). A numerical classification study was carried out on 153 strains of Enterobacter using 64 unit characters. Eighty four of Enterobacter spp.were identified by traditional characteristics and Vitek 2 compact system were subjected to genetic identification by Polymerase chain reaction (PCR) technique; through which the 16SrDNA gene of 1500 bp was amplified, and sequenced after extracted genomic DNA by ExiPrepTM 16 fully automated nucleic acid extraction system(Bioneer). Thirty five bacterial isolates were reported as new global strains because these isolates have different mutation according to their sequence compared with their reference strains, and published by the European Nucleotide Archive (ENA) and National Center for Biotechnology Information (NCBI).